

# Genska ekspresija transkripcijskih faktorjev pri kroničnem rinosinuzitisu z nosnimi polipi in brez nosnih polipov

Košak Soklič T, Rijavec M, Silar M, Koren A, Kern I, Hočevvar-Boltežar I, Korošec P

**Izhodišča.** Nekateri bolniki s kroničnim rinosinuzitisom imajo kljub ustreznemu zdravljenju težke stalne simptome in ponovitve po operacijah. Želeli smo opredeliti gensko ekspresijo glavnih transkripcijskih faktorjev podtipov limfocitov T pri kroničnem rinosinuzitisu z nosnimi polipi (KRSwNP) in kroničnem rinosinuzitisu brez nosnih polipov (KRSSNP), ki bi lahko predstavljali potencialne nove tarče topikalnega zdravljenja z DNAcimi.

**Bolniki in metode.** Prospektivno smo vključili 22 bolnikov z novoodkritim kroničnim rinosinuzitisom (14 KRSwNP in 8 KRSSNP), jim odvzeli biopsijo sluznice in jo histopatološko analizirali. Gensko ekspresijo transkripcijskih faktorjev T-box transcription factor (T-bet, *TBX21*), GATA binding protein 3 (*GATA3*), Retinoic acid-related orphan receptor C (*RORC*) in Forkhead box P3 (*FOXP3*) smo analizirali s kvantitativno verižno reakcijo s polimerazo v realnem času (RT-qPCR).

**Rezultati.** Eozinofilni KRSwNP je izražal večjo gensko ekspresijo *GATA3* v primerjavi z neoeozinofilnim KRSwNP, medtem ko ni bilo razlik v ekspresiji T-bet, *RORC* in *FOXP3* med eozinofilnim in neoeozinofilnim KRSwNP. Pri KRSSNP smo ugotovili simultano zvišane nivoje ekspresij T-bet, *GATA3* in *RORC* v primerjavi s KRSwNP; ni pa bilo razlike v genski ekspresiji *FOXP3* med KRSwNP in KRSSNP.

**Zaključki.** Pri eozinofilnem KRSwNP smo potrdili vnetje tipa 2 s povečano gensko ekspresijo *GATA3*. Pri KRSSNP smo nepričakovano ugotovili simultano zvišani ekspresiji T-bet in *GATA3*, ki sta ostali nepojasneni; lahko bi izvirali iz aktiviranih CD8<sup>+</sup> celic, pomnoženih v sluznici bolnikov s KRSSNP. Povečana ekspresija *RORC* pri KRSSNP bi bila lahko del normalnega homeostatskega imunskega odziva nosne sluznice, ki je verjetno boljše ohranjenega pri bolnikih s KRSSNP kot pri bolnikih s KRSwNP. Potrebne bi bile dodatne analize ekspresije transkripcijskih faktorjev pri fenotipih kroničnega rinosinuzitisa.